

Title (en)  
METHOD OF DETECTING DNA SEQUENCE VARIATION.

Title (de)  
VERFAHREN FÜR DIE DETEKTION VON DNA-SEQUENZ-ABWEICHUNGEN.

Title (fr)  
PROCEDE DE DETECTION DE LA VARIATION DE SEQUENCES D'ADN.

Publication  
**EP 0559841 A1 19930915**

Application  
**EP 92904579 A 19920124**

Priority  
NL 9100132 A 19910125

Abstract (en)  
[origin: WO9213101A1] Detection of genetic variation by 2-D electrophoresis of DNA fragments of a DNA sample to be analysed, the fragments being separated in one dimension according to length and in the other dimension according to base sequence, transfer to a membrane filter and hybridization analysis using DNA or RNA probes. The DNA fragments consist of inter-repeat sequences generated on the basis of the DNA to be analysed by means of a DNA amplification process such as a PCR with repeat-specific primer(s). Suitable inter-repeat sequences are for example sequences located between two Alu-repeats, between two Kpn-repeats, or between an Alu- and Kpn-repeat. Preferably inter-repeat sequences generated by means of a DNA amplification process with repeat-specific primer(s), performed on subgenomic DNA, for example DNA of one chromosome or a part thereof, are used as a probe in the hybridization analysis.

Abstract (fr)  
L'invention concerne la détection de la variation génétique, par électrophorèse bidimensionnelle, de fragments d'un échantillon d'ADN à analyser, les dits fragments étant séparés dans une dimension selon la longueur et dans l'autre dimension selon la séquence de base, par transfert sur un filtre à membrane et par analyse d'hybridation à l'aide de sondes à ADN et ARN. Les fragments d'ADN consistent en des séquences intra-répétées générées sur la base de l'ADN à analyser, au moyen d'un procédé d'amplification de l'ADN tel que la réaction en chaîne de la polymérase (PCR) avec une ou des amorces spécifiques aux séquences répétées. Des séquences intra-répétées qui conviennent sont, par exemple, des séquences situées entre deux séquences répétées Alu, entre deux séquences répétées kpn, ou entre une séquence répétée Alu et une séquence répétée Kpn. Pour l'analyse d'hybridation, on utilise, comme sonde, de préférence des séquences répétées générées par le procédé d'amplification d'ADN mis en oeuvre avec une ou des amorces(s) spécifique(s) aux séquences répétées et réalisé sur de l'ADN sous-génomique, par exemple l'ADN d'un chromosome ou une partie de celui-là.

IPC 1-7  
**C12Q 1/68**

IPC 8 full level  
**C12Q 1/68** (2006.01); **C12Q 1/6827** (2018.01); **C12Q 1/6858** (2018.01); **C12Q 1/6876** (2018.01)

CPC (source: EP)  
**C12Q 1/6827** (2013.01); **C12Q 1/6858** (2013.01); **C12Q 1/6876** (2013.01); **C12Q 2600/156** (2013.01)

C-Set (source: EP)  
1. **C12Q 1/6827** + **C12Q 2565/125** + **C12Q 2531/113** + **C12Q 2525/151**  
2. **C12Q 1/6858** + **C12Q 2565/125** + **C12Q 2525/151**

Citation (search report)  
See references of WO 9213101A1

Cited by  
CN101792808A

Designated contracting state (EPC)  
DE FR GB NL

DOCDB simple family (publication)  
**WO 9213101 A1 19920806**; EP 0559841 A1 19930915; NL 9100132 A 19920817

DOCDB simple family (application)  
**NL 9200018 W 19920124**; EP 92904579 A 19920124; NL 9100132 A 19910125